

Anforderungsformular zur molekularpathologischen Untersuchung

Patientendaten: Datum:	Einsender (Praxis/Klinik/Arzt):	<i>Eingangsnummer Tübingen Barcode</i>
Name:		
Vorname:		
Geb.-Dat.:		
Blocknr:		
Diagnose:		
Sonst. Befundempfänger oder Bemerkungen:		Rechnungsadresse: Adresse angeben: <input type="radio"/> Privat-Pat. <input type="radio"/> anfordernde Klinik <input type="radio"/> Rechnung an Einsender <input type="radio"/> KV-Patient Ü-Schein liegt bei

Hämatopathologische Diagnostik	
Klonalitätsanalysen	
B-Zell-Klonalitätsanalyse (BIOMED2)	FR2 und FR3 FR1 und IGK
T-Zell-Klonalitätsanalyse (TCRG)	
T-Zell-Klonalitätsanalyse (TCRD)	
NHL	
MYD88 Mut.analyse Kodon 265 (versch. B-NHL; PCR)	
RHOA Mutationsanalyse (AILT; PCR)	
IDH2 Mutationsanalyse (AILT, Seq.)	
CD28 Mutationsanalyse (AILT, Seq.)	
BRAF Mut.analyse Kodon 600 (Haarzell-Leukämie)	
Cyclin D1, 2 3 Quantifizierung (Mantelzell-Lymph.; RT-qPCR)	
BCL2-IGH Translokation (Follikul. Lymph.; PCR od. FISH)	
CyclinD1-IGH Translokation (Mantelz.-Lymph.; FISH)	
NPM-ALK1 Translokation (ALCL; FISH)	
MYC-IGH Translokation (Burkitt-Lymphom; FISH)	
MYC Translokation (B-NHL; FISH)	
MALT1 Translokation (MALT-Lymphom; FISH)	
BCL6 Translokation (B-NHL; FISH)	
Myeloproliferative Erkrankungen + MDS/MPN	
JAK2 Mutationsanalyse Kodon 617 (MPN)	
JAK2 Mutationsanalyse Exon 12 (PV)	
SRSF2 Mutationsanalyse (CMML u.a.)	
CALR Mutationsanalyse (ET und MF)	
KIT Mutationsanalyse Kodon 816 (Mastozytose)	
CSF3R Mutationsanalyse (CNL und aCML)	
SETBP1 Mutationsanalyse (aCML)	
SF3B1 Mutationsanalyse (MDS und RARST)	
BRAF MAP2K1 Mut.analyse (Langerhanshistiozytose)	
MPL Mutationsanalyse (PMF und ET)	
BCR/ABL Translokation (CML; FISH od. RT-PCR)	
PDGFRA Translokation (Chron. eosinoph. Leukämie; FISH)	

Panelanalysen Next Generation Sequencing	
	Diagnostisches NGS-Panel Häma myelo I (MPN + Mastozytose)
	Diagnostisches NGS-Panel Häma myelo III (atyp. MPN + MDS + MDS/MPN, MPN + Mastozytose), Hotspotregionen: SF3B1, CSF3R, SRSF2, SETBP1, JAK2 Ex12, IDH2, U2AF1, CBL, ETKN1
	NGS MDS 15 Gene Hotspotregionen und komplette kodierende Seq.: ZRSR2, TP53, RUNX1, SRSF2, ASXL1, U2AF1, IDH1, IDH2, SF3B1, NRAS, CBL, KRAS, SETBP1, FLT3, DNMT3A
	NGS großes Panel MDS, MDS/MPN und MPN 32 Gene Hotspotregionen und komplette kodierende Seq.: CEBPA, RUNX1, IKZF1, DNMT3A, EZH2, ZRSR2, RAD21, TP53, TET2, NPM1, ATRX, JAK2, FLT3, STAT3, ASXL1, IDH1, IDH2, SRSF2, SF3B1, U2AF1, SETBP1, MPL, KIT, CBL, CSF3R, CALR, ETKN1, KRAS, NRAS, HRAS, BRAF, GNAS

Sonstiges auf Anfrage	
<small>Prädiktive Marker für zielgerichtete Therapien</small>	

