

Anforderungsformular zur molekularpathologischen Untersuchung

Patientendaten: Datum:	Einsender (Praxis/Klinik/Arzt):	<i>Eingangsnummer Tübingen</i> <i>Barcode</i>
Name:		
Vorname:		
Geb.-Dat.:		
Blocknr:		
Diagnose:		
Rechnungsadresse:		Adresse angeben: <input type="radio"/> Privat-Pat. <input type="radio"/> anfordernde Klinik
Sonst. Befundempfänger oder Bemerkungen:		<input type="radio"/> Rechnung an Einsender <input type="radio"/> KV-Patient <input type="radio"/> Ü-Schein liegt bei

Genetische Veränderungen solider Tumoren		
Kolonkarzinom (NGS oder Sanger-Seq.)		
<input type="checkbox"/>	RAS Mutation (v.a. Kolorekt. CA; KRAS und NRAS Exon 2, 3, 4)	
<input type="checkbox"/>	KRAS Mutation nur Exon 2	
<input type="checkbox"/>	BRAF (Kodon 600)	<input type="checkbox"/> PIK3CA Mut.
NSCLC (NGS oder Sanger-Seq. und FISH)		
<input type="checkbox"/>	EGFR Mutation (v.a. Lungen-CA; Exon 18, 19, 20, 21)	
<input type="checkbox"/>	EGFR Amplifikation (Lungen-CA, FISH)	
<input type="checkbox"/>	EML4-ALK (NSCLC; Stufendiagnostik IHC und FISH)	
<input type="checkbox"/>	BRAF Exon 11 und 15 (NSCLC; Seq.)	
<input type="checkbox"/>	ROS1-Translokation (NSCLC; Stufendiagnostik IHC und FISH)	
<input type="checkbox"/>	MET Amplifikation (FISH)	<input type="checkbox"/> MET Mut. Ex14 Skipping
<input type="checkbox"/>	RET Rearrangements (NSCLC; FISH)	
<input type="checkbox"/>	NTRK Fusionen (FISH, NGS)	
<input type="checkbox"/>	EGFR Resistenzmutation p.T790M Gewebe-Biopsie	
<input type="checkbox"/>	EGFR Resistenzmutation p.T790M Liquid Biopsy	
GIST		
<input type="checkbox"/>	KIT (Exon 9, 11, 13, 14, 17, 18) u. PDGFRA (Exon 12, 18) Mut. GIST	
<input type="checkbox"/>	KIT Mutation nur Exon 9 und 11 (GIST Primärmutation)	
<input type="checkbox"/>	KIT (Exon 13, 14, 17, 18) und PDGFRA (Exon 12, 18) Mut. GIST	
Melanom		
<input type="checkbox"/>	BRAF NRAS KIT Mutation (Melanom)	
<input type="checkbox"/>	BRAF Mutation nur Kodon 600 (Melanom, HNPCC Ausschluss)	
<input type="checkbox"/>	CCND1 Amplifikation (Melanom; FISH)	
<input type="checkbox"/>	KIT Amplifikation (Melanom; FISH)	
Mammakarzinom		
<input type="checkbox"/>	HER2 IHC	
<input type="checkbox"/>	HER2 Amplifikation (FISH)	
Sarkome		
<input type="checkbox"/>	FUS Transl. (Low grade fibromyxoid. Sarkom)(FISH, RT-PCR FUS/CREB3L1/2)	
<input type="checkbox"/>	FOXO1 (FKHR) Translokation (Alveol. Rhabdomyosarkom)(FISH)	
<input type="checkbox"/>	SYT/SSX1/2/4 Translokation (Synoviales Sarkom)(FISH, RT-PCR)	
<input type="checkbox"/>	MDM2 Amplif. (Atyp. lipomat. Tumor/dedifferenz. Liposarkom)(FISH)	
<input type="checkbox"/>	DDIT3 (CHOP) Translok. (Myxoides Liposarkom)(FISH)	
<input type="checkbox"/>	EWS/FLI1/ERG Translok. (Ewing-Sarkom-Fam.)(FISH, RT-PCR)	
<input type="checkbox"/>	EWS/ATF1 Translokation (Klarzell-Sarkom)(FISH, RT-PCR)	
<input type="checkbox"/>	EWS Transl. (Myxoides Liposarkom)(FISH)(selten DDIT3-EWS)	
<input type="checkbox"/>	YWHAE-FAM22 Transl. (High grade endometr. Stromasarkom.)(FISH)	
<input type="checkbox"/>	JAZF1/SUZ12 Transl. (Low grade endometriales Stromasarkom)(FISH)	
Prädiktive Marker für zielgerichtete Therapien		

Ovarial- und Endometriumkarzinom		
<input type="checkbox"/>	BRCA1 BRCA2 Mutation (Next Generation Sequencing)	
<input type="checkbox"/>	POLE Mutation (Hotspots Ex 9 und 13)	
Cholangiozelluläres Karzinom		
<input type="checkbox"/>	IDH Mutation (Hotspot-Kodons IDH1 132, IDH2 140 und 172)	
sonstige solide Tumore		
<input type="checkbox"/>	FOXL2 Mutation (Granulosazelltumor, Kodon 134)	
<input type="checkbox"/>	TP53 Mutation (verschiedene Tumore)	
<input type="checkbox"/>	TP53 Deletion (verschiedene Tumore; FISH)	
<input type="checkbox"/>	GNAS Mutation (fibröse Dysplasie, Kodon 201)	
<input type="checkbox"/>	UroVysion (Harnblasen-CA, Mesotheliom; FISH)	
<input type="checkbox"/>	PD-L1 (IHC)	<input type="checkbox"/> PD1 (IHC)
HNPCC Screening		
<input type="checkbox"/>	MMR-Protein IHC	
<input type="checkbox"/>	Mikrosatellitenanalyse	
<input type="checkbox"/>	MLH1-Promoter-Methylierung	
Kolorektales CA: Stufendiagnostik MMR IHC + MSI → BRAF → MLH1 Methylierung Endometrium-CA: Stufendiagnostik MMR IHC → MLH1-Methylierung		
Sonstiges auf Anfrage		

Anforderungsformular zur molekularpathologischen Untersuchung

Patientendaten: Datum:	Einsender (Praxis/Klinik/Arzt):	<i>Eingangsnummer Tübingen Barcode</i>
Name:		
Vorname:		
Geb.-Dat.:		
Blocknr:		
Diagnose:	Rechnungsadresse: Adresse angeben: <input type="radio"/> Privat-Pat. <input type="radio"/> anfordernde Klinik	
Sonst. Befundempfänger oder Bemerkungen:	<input type="radio"/> Rechnung an Einsender <input type="radio"/> KV-Patient <input type="radio"/> Ü-Schein liegt bei	

Panelanalysen Next Generation Sequencing

Panel Entitäts-spezifisch/Tumorgruppen

<input type="checkbox"/>	Ion AmpliSeq Colon and Lung Cancer Panel Hotspots: KRAS, EGFR, BRAF, PIK3CA, AKT1, ERBB2, PTEN, NRAS, STK11, MAP2K1, ALK, DDR2, CTNNB1, MET, TP53, SMAD4, FBX7, FGFR3, NOTCH1, ERBB4, FGFR1, FGFR2
<input type="checkbox"/>	Ion AmpliSeq Custom Panel Melanome u. GIST Hotspots: BRAF, NRAS, KIT, KRAS, GNAQ, GNA11, CTNNB1, MAP2K1, PDGFRA
<input type="checkbox"/>	Ion AmpliSeq Custom Panel Leberadenome Hotspots in: CTNNB1, GNAS, IL6ST, JAK1, FRK, TERT Promoter, komplette kod. Seq.: HNF1A, STAT3, SLCOB3, KPNA4, ALK, DDX21, KIAA1109

Panel Fusionsgene

<input type="checkbox"/>	Oncomine Solid Tumor Fusion Transcript Kit >60 Fusionen der Gene ALK, RET, ROS1, NTRK
<input type="checkbox"/>	Archer FusionPlex Assay Lung Fusionen mit 14 Fusionspartnern NSCLC
<input type="checkbox"/>	Archer FusionPlex Sarkoma Kit Fusionen mit 26 Fusionspartnern Sarkome

Pan-Tumor-Panel

<input type="checkbox"/>	Ion AmpliSeq TP53 Panel
<input type="checkbox"/>	Ion AmpliSeq Cancer Hotspot Panel Hotspots in 50 Tumor-relevanten Genen (Onkogene und Tumorsuppressorgene)
<input type="checkbox"/>	Oncomine Focus Assay 52 Gene zur zielgerichteten Therapie mit zugelassenen Substanzen und aus >700 klinischen Studien: Hotspotmutationen, Kopienzahlveränderungen, Genfusionen
<input type="checkbox"/>	Oncomine Comprehensive Assay Mutationen, Kopienzahlveränderungen und Genfusionen in 161 Genen
<input type="checkbox"/>	Oncomine Tumor Mutation Load Assay Bestimmung Tumor-Mutationslast (TMB) und Detektion von Tumor-relevanten Mutationen

Panel Liquid Biopsy

<input type="checkbox"/>	Oncomine Lung cfDNA Assay Liquid Biopsy Hotspots 11 Gene
<input type="checkbox"/>	Oncomine Colon cfDNA Assay Liquid Biopsy Hotspots 14 Gene